doi: 10.13241/j.cnki.pmb.2021.19.010

miR-29a 对于膝关节骨性关节炎大鼠滑膜损伤中的保护作用研究*

刘旭剑! 王东来! 李增怀! 冯 奇! 常富军? 冯建刚!

(1河北医科大学第四医院骨科 河北 石家庄 050011;2 中国人民解放军联勤保障部队第 980 医院骨科 河北 石家庄 050000)

摘要目的:探讨 miR-29a 对于膝关节骨性关节炎(KOA)大鼠滑膜损伤中的保护作用研究。方法:采用前交叉韧带横断法(ACLT) 建立 KOA 大鼠模型。大鼠注射 microRNA 阴性对照和 miR-29a。通过实时定量聚合酶链反应(RT-qPCR)检测 KOA 滑膜组织和滑 膜细胞中 miR-29a 的表达。RT-qPCR 和蛋白免疫印迹试验检测 Toll 样受体 4/ 髓样分化蛋白 88/ 核因子 κB(TLR4/Myd88/NF-κB) 信号通路相关蛋白的表达。检测 KOA 滑膜组织及滑膜细胞中炎症因子的表达水平。结果:KOA 滑膜组织和滑膜细胞中 miR-29a 表达下调。上调 miR-29a 可抑制 KOA 大鼠滑膜细胞的炎症反应,促使 KOA 大鼠的 TLR4/Myd88/NF-κB 信号通路失活。结论:上 调 miR-29a 可通过 TLR4/Myd88/NF-κB 信号通路失活化抑制 KOA 大鼠滑膜细胞炎症反应,从而保护滑膜损伤。

关键词:miR-29a;膝关节骨性关节炎;滑膜损伤;机制

中图分类号: R-33; R684.3 文献标识码: A 文章编号: 1673-6273(2021) 19-3649-05

Protective Effect of miR-29a on Synovial Injury in Rats with Knee Osteoarthritis*

LIU Xu-jian', WANG Dong-lai', LI Zeng-huai', FENG Qi', CHANG Fu-jun², FENG Jian-gang^{1/2}

(1 Department of Orthopaedics, The Fourth Hospital of Hebei Medical University, Shijiazhuang, Hebei, 050011, China;

2 Department of Orthopaedics, 980 Hospital of PLA Joint Logistics Support Force, Shijiazhuang, Hebei, 050000, China)

ABSTRACT Objective: To investigate the protective effect of miR-29a on synovial injury in rats with knee osteoarthritis (KOA). **Methods:** A KOA rat model was established by anterior cruciate ligament transection (ACLT). Rats were injected with microRNAnegative control and miR-29a. miR-29a expression in synovial tissue and synovial cells of KOA was detected by real-time quantitative polymerase chain reaction (RT-qPCR). Toll-like receptor 4/ myeloid differentiation protein 88/ nuclear factor κ B (TLR4/MyD88/NF- κ B) signaling pathway related protein expression was detected by RT-qPCR and Western blot assay. The expression levels of inflammatory cytokines in KOA synovial tissue and synovial cells were detected. **Results:** miR-29a expression was down-regulated in KOA synovial tissue and synovial cells. Up-regulation of Mir-29a inhibits the inflammatory response of synoviocytes in KOA rats, and inactivates the TLR4/Myd88/NF- κ B signaling pathway in KOA rats. **Conclusion:** The up-regulation of miR-29a inhibited the inflammatory response of synovial cells in KOA rats through the inactivation of TLR4/MyD88/NF- κ B signaling pathway, thereby protecting the synovial injury.

Key words: miR-29a; Knee osteoarthritis; Synovial injury; Mechanism Chinese Library Classification(CLC): R-33; R684.3 Document code: A Article ID: 1673-6273(2021)19-3649-05

前言

膝关节骨性关节炎(Knee osteoarthritis,KOA)是老年人最 常见的退行性疾病之一,KOA 的可能性随着年龄的增长而增 加^[1,2]。KOA 的危险因素有创伤性膝关节损伤、肥胖、体力劳动 等,但 KOA 的早期诊断仍是一个未解决的难题。微小核糖核酸 (microRNA)是一种非编码小 RNA,它通常包含约 20 个核苷 酸,并具有调节某些靶基因的能力^[3]。有研究表明,KOA 的滑 膜、关节液中 miR-29a 呈低表达状态,而且随着 KOA 严重程度 的增加,miR-29a 表达呈显著降低趋势,与 VEGF 表达水平呈 负相关性^[4]。但 miR-29a 与 KOA 滑膜损伤的相关性尚不明确。 韦嵩^[5]等研究显示,经筋微创疗法治疗 KOA 可通过调控 TLR4 信号转导通路,抑制下游 MyD88、NF-κB,阻断炎性细胞因子的 分泌,减少软骨破坏,改善关节活动功能障碍、晨僵等症状,从 而达到控制 KOA 进一步发展的目的。KOA 的治疗机制可能与 降低 TLR4、MyD88、NF-κB 蛋白表达有关^[6]。因此,本研究通过 TLR4/Myd88/NF-κB 信号通路,探讨 miR-29a 对 KOA 大鼠滑 膜损伤的保护作用及机制,以期为 KOA 的治疗提供新的治疗 靶点。

1 材料与方法

1.1 实验动物

选取健康雄性 SD 大鼠 40 只,周龄为 3 周,体重(180±10)g, 由河北医科大学第四医院动物实验中心提供。提供大鼠常规的

^{*}基金项目:河北省医学科学研究重点课题计划项目(20170759)

作者简介:刘旭剑(1981-),男,硕士,主治医师,研究方向:膝关节、骨肿瘤,E-mail:ssyliuxujian@126.com

[△] 通讯作者:冯建刚(1961-),男,硕士,主任医师,研究方向:骨与软组织肿瘤、脊柱、关节,E-mail:2006fjg@163.com

⁽收稿日期:2021-04-23 接受日期:2021-05-18)

食物和饮用水,适应性喂养1周。喂养条件为:室温18-26℃,湿度40-70%,噪音在85dB以下,每小时通风8-12次,12h/12h 人工昼夜周期。本研究获得了本院医学伦理委员会批准。

1.2 动物模型的建立及分组

将大鼠随机分为四组:对照组(n=10)、ACLT 组(n=10)、 ACLT+ microRNA 阴性对照组 (n=10)、ACLT+miR-29a 组 (n=10)。采用前交叉韧带横断法(ACLT)建立大鼠模型。术前 测量大鼠体重,采用 0.1 mg/kg 麻醉剂注射大鼠,麻醉后放置在 手术台上。ACLT 组、ACLT+ microRNA 阴性对照组和 ACLT+ miR-29a 组大鼠取右膝关节髌骨旁内侧切口,打开关节囊,见 髌股关节面后将髌骨推向外侧,膝关节屈曲,分离前交叉韧带 (注意勿损伤软骨),行抽屉试验确定已离断前交叉韧带,闭合 关节腔,分层缝合切口。对照组大鼠仅切开至关节腔,不进行 前交叉韧带离断。醒后将大鼠置于笼中常规饲养,大鼠四肢不 固定。ACLT+microRNA 阴性对照组和 ACLT+miR-29a 组分别 于术后 3 天、1 周、2 周、3 周、4 周在膝关节腔内注射 0.5 mL microRNA 阴性对照和 miR-29a。4 周后,每组大鼠均进行安乐 死,收集膝关节标本,制成冰冻切片和石蜡切片,采用组织学和 分子生物学提取总 RNA 和总蛋白。

1.3 酶联免疫吸附试验(ELISA)

麻醉大鼠股动脉置血 1 h 后离心,取血清,滑膜组织磨匀离 心,收集各组上清液,用无菌 EP 管包装。根据 IL-6 和 TGF-β ELISA 试剂盒构建制备 8 个标准品,第 8 孔为空白对照组。标 准物质和样本(100 μL)分别加入 96 孔板,在 37℃孵化 2 h,加 上 100 μL 初级抗体并孵化 1 h。每个孔添加 100 μL 二级抗体, 并添加 100 μL 显色试剂,孵化 30 min。每孔添加 50 μL 停止液 停止反应。测定各孔的吸光度值和浓度,绘制标准曲线。

1.4 实时定量聚合酶链反应(RT-qPCR)

总 RNA 由 TRIzol 试剂盒从标本和细胞中提取。根据反转 录试剂盒将 RNA 逆转录为 cDNA。以 U6 为 miR-29a 相对表达 的内参,以 β-actin 为 TLR4、Myd88、NF-κB、Bcl-2、Bax、IL-1β、 TNF-α 的内参。引物:miR-29a;5'- GAGTTGACCACAGCAC-CTC-3';U6:5'- CTCAACTGGTGTCGTGGA- 3';TLR4:5'- CTC GCTTCGGCAGCACA- 3';Myd88:5'- AACGCTTCACGA ATT TGCGT-3';NF-κB:5'-ACAAACGCCGGAACTTTTCG-3';Bel-2: 5'-GTCGGACACACAACATTAAGC-3';Bax:5'-TT GCCAGC-GAGCTAATTGAG- 3';IL-1β:5'- ACAGGCTGAGTG CAAAC TTG- 3';TNF-α:5'-TGTCTGCACCTGTTCCAAAG- 3';β-actin: 5'-TTACAGGAAGTCCCTCACCCTC- 3'。采用 2^{-a.a.CT}法计算 mRNA 的相对转录水平。

1.5 蛋白免疫印迹试验

提取滑膜组织和细胞总蛋白。用去离子水对每个样品的蛋白浓度进行评估和调整,确保装载量一致。将样品与上样缓冲液混合,在100℃下煮沸5min,电泳分离,将蛋白转移到硝化棉膜上,在4℃下用5%脱脂奶粉密封过夜。加入一抗和二抗后孵育过夜。将滑膜浸泡在增强化学发光(ECL)反应试剂1min。曝光后观察结果。β-actin 作为内部参照。

1.6 细胞分离、培养和鉴定

将正常大鼠和 KOA 大鼠的滑膜组织用含双抗体的 PBS 浸泡 5 min, PBS 洗涤 3 次,置于培养皿中。将滑膜组织切成小

块,并放置在 6 mL 胶原酶Ⅱ(4 mg/mL)含 10%PBS 的溶液中 3 h,使滑膜组织胰蛋白酶化,离心,丢弃上清液,然后添加 2 mL 杜氏改良培养基(DMEM)培养液,离心,丢弃上清液,再加入 4 mL DMEM 培养液混合,加入 1 mL PBS(20%最终浓度),孵 育并丢弃贴壁细胞。原代细胞形成单层后,用 0.25%胰蛋白酶 传代,取对数生长期细胞进行实验。倒置显微镜下观察细胞的 生长情况。滑膜细胞纯度鉴定:将第三代细胞接种于 24 孔板上 (1×10⁵ 个/孔),细胞覆盖孔后弃培养液,用羊血固定 1 h,血管 细胞粘附分子 (VCAM)-1 在 4℃孵育过夜,随后 PBS 冲洗 3 次,荧光二抗孵育 1 h,4',6- 二脒基 -2- 苯基吲哚(DAPI)染色 10 min,荧光显微镜下观察,保存结果。

1.7 细胞分组和转染

将滑膜细胞分为正常组(无任何处理的正常滑膜细胞)、 ACLT组(无任何转染的 KOA 滑膜细胞)、ACLT+ microRNA 模拟阴性对照组(转染 microRNA 模拟阴性对照的 KOA 滑膜 细胞)、ACLT+miR-29a 模拟组(转染 miR-29a 模拟的 KOA 滑 膜细胞)。按照试剂盒说明,用模拟 microRNA 阴性对照和模拟 miR-29a 转染细胞,然后将转染的细胞在 37℃和 5% CO2 孵育。 24h 后更换培养液,在荧光倒置显微镜下观察转染效率。

1.8 流式细胞术

膜联蛋白/碘化丙啶双染法检测细胞凋亡:每组细胞 1000 rpm、4℃离心 5 min 后收集。去离子水稀释结合缓冲液 (4 mL结合缓冲液 +12 mL去离子水)。随后用预冷 PBS 洗涤 2 次,1000 rpm 离心 5 min,弃上清,250 μL结合缓冲液重悬细 胞,调整细胞浓度至 1×10⁶ 细胞/孔;细胞悬液(5 mL)加入 5 mL流管,然后添加 5 μL 膜联蛋白和 5 μL碘化丙啶混合液, 无光照环境曝光 15 min。PBS(400 μL)添加到反应管,然后注 入在流式细胞仪,分析结果。

1.9 统计学方法

采用 SPSS22.0 统计分析软件, 计量资料采用均数±标准 差(x±s)表示及 t 检验,计数资料以频数和百分率表示及 χ² 检 验,多组间比较采用单因素方差分析, P<0.05 为差异有统计 学意义。

2 结果

2.1 KOA 大鼠滑膜组织中 miR-29a 表达情况

与对照组比较,ACLT 组、ACLT+microRNA 阴性对照组、 ACLT+miR-29a 组中 miR-29a 的表达下降,Mankin 评分明显升 高,差异均有统计学意义(P<0.05)。与 ACLT 组比较,ACLT+ miR-29a 组 miR-29a 表达升高,Mankin 评分明显降低,差异有 统计学意义(P<0.05)。ACLT 组与 ACLT+microRNA 阴性对 照组 miR-29a 表达和 Mankin 评分差异无统计学意义(P> 0.05)。如表 1 所示。

2.2 miR-29a 对 KOA 大鼠炎性指标 IL-6 和 TGF-β 的影响

ACLT 组、ACLT+ microRNA 阴性对照组和 ACLT+ miR-29a 组大鼠血清、滑膜组织和相对 RNA 水平中 IL-6 和 TGF-β 的表达水平均较对照组升高,差异有统计学意义(P< 0.05)。与 ACLT 组相比, ACLT+miR-29a 组 IL-6 和 TGF-β 的表 达水平明显降低,差异有统计学意义(P<0.05)。如表 2 所示。

| Table 1 Relative KNA levels of mik-29a and Mankin score in each group($x\pm s$) | | | | |
|---|-----------------|-----------------|--|--|
| Groups | miR-29a | Mankin score | | |
| Control group | 1.00 ± 0.01 | 0.25 ± 0.01 | | |
| ACLT group | 0.25±0.03* | 7.01±0.30* | | |
| ACLT+ microRNA negative control group | 0.30±0.03* | 6.98±0.30* | | |
| ACLT+miR-29a group | 0.71±0.05*& | 2.18±0.15** | | |
| F value | 48.497 | 92. 716 | | |
| <i>P</i> value | 0.000 | 0.000 | | |

表 1 各组 miR-29a 的相对 RNA 水平和 Mankin 评分比较(x±s)

| Fable 1 Relative P | NA levels of | miP 20a and M | onkin score in | each group | |
|--------------------|--------------|---------------|----------------|------------|--|

Note: compared with the control group, P < 0.05; compared with ACLT group, P < 0.05.

| Table 2 Comparison of the expression levels of IL-1 β and TNF- α in each group($\overline{x\pm s}$) | | | | | | |
|--|----------------|----------------|------------------------|-----------------|---------------------------------------|-------------|
| Groups | Serum(pg/mL) | | Synovial tissue(pg/mL) | | Relative RNA level($\bar{x} \pm s$) | |
| | IL-6 | TGF-β | IL-6 | TGF-β | IL-6 | TGF-β |
| Control group | 263.58±16.34 | 632.54±23.86 | 752.03±34.21 | 2534.12±42.01 | 1.00 ± 0.01 | 1.00±0.01 |
| ACLT group | 520.67±25.63* | 1206.34±30.56* | 1734.05±32.05* | 5634.28±64.37* | $3.05 \pm 0.20*$ | 3.77±0.20* |
| ACLT+ microRNA negative control group | 510.42±22.38* | 1152.06±31.65* | 1634.20±30.22* | 5312.47±72.08* | 3.14±0.20* | 3.56±0.21* |
| ACLT+miR-29a group | 386.04±17.95** | 759.42±25.33*& | 1088.34±24.37*& | 3420.54±66.34*& | 1.43±0.14** | 1.86±0.14** |
| F value | 27.945 | 42.507 | 30.15 | 102.34 | 21.547 | 16.974 |
| <i>P</i> value | 0.000 | 0.000 | 0.000 | 0.000 | 0.000 | 0.000 |

表 2 各组 IL-1 β 和 TNF- α 的表达水平比较($\bar{x}_{\pm s}$)

Note: compared with the control group, $*P \le 0.05$; compared with ACLT group, $*P \le 0.05$.

2.3 miR-29a 对 KOA 大鼠滑膜组织中 TLR4/Myd88/NF-κB 通路的影响

与对照组比较,ACLT组、ACLT+microRNA 阴性对照组和 ACLT+miR-29a 组 TLR4、Myd88、NF-κB的表达水平均显著

升高,差异有统计学意义 (*P*<0.05);与 ACLT 组相比,A-CLT+miR-29a 组 TLR4、Myd88、NF-κB 的表达水平明显降低,差异有统计学意义(*P*<0.05)。如表 3 所示。

| 表 3 各组 TLR4、Myd88、NF-κB 的相对 RNA 水平(x±s) |
|--|
| Table 3 Relative RNA levels of TLR4, Myd88, and NF- κ B in each group($\bar{x}\pm s$) |

| Groups | TLR4 | Myd88 | NF-ĸB |
|---------------------------------------|-----------------|-----------------|------------------|
| Control group | 1.00 ± 0.01 | 1.00 ± 0.01 | 1.00 ± 0.01 |
| ACLT group | 4.21±0.26* | 8.13±0.30* | $6.84 \pm 0.28*$ |
| ACLT+ microRNA negative control group | 4.17±0.26* | 8.04±0.30* | 6.73±0.28* |
| ACLT+miR-29a group | 2.18±0.15** | 3.14±0.22*& | 3.20±0.20** |
| F value | 34.085 | 33.924 | 27.416 |
| P value | 0.000 | 0.000 | 0.000 |

Note: compared with the control group, $*P \le 0.05$; compared with ACLT group, $*P \le 0.05$.

2.4 KOA 大鼠滑膜细胞中 miR-29a 表达情况

与正常组比较,ACLT 组、ACLT+ microRNA 模拟阴性对 照组和 ACLT+miR-29a 模拟组大鼠滑膜细胞中 miR-29a 表达 水平下降,差异有统计学意义(P<0.05)。与 ACLT 组比较, ACLT+miR-29a 模拟组大鼠滑膜细胞中 miR-29a 表达水平升 高,差异有统计学意义(P<0.05)。ACLT 组与 ACLT+ microR-NA 模拟阴性对照组比较,大鼠滑膜细胞中 miR-29a 表达水平 差异无统计学意义(P>0.05)。如表4所示。

2.5 上调 miR-29a 可抑制 KOA 大鼠滑膜细胞的炎症反应

ACLT 组、ACLT+microRNA 模拟阴性对照组和 ACLT+miR-29a模拟组大鼠滑膜细胞中 IL-6 和 TGF-β 的表达水平及 其相对 RNA 表达水平均较正常组显著升高,差异有统计学意 义(P<0.05)。与 ACLT 组比较,ACLT+miR-29a 模拟组 IL-6 和 TGF-β 的表达水平明显降低,差异有统计学意义(P<0.05)。 如表5所示。

表 4 大鼠滑膜细胞中 miR-29a 的表达($\bar{x}\pm s$)

Table 4 Expression of miR-29a in rat synovial cells $(\bar{x}\pm s)$

| | - |
|--|-----------------|
| Groups | miR-29a |
| Control group | 1.00 ± 0.01 |
| ACLT group | 0.21±0.03* |
| ACLT+ microRNA simulation negative control group | 0.23±0.03* |
| ACLT + miR-29a simulation group | 0.77±0.05** |
| F value | 36.251 |
| <i>P</i> value | 0.000 |

Note: compared with the control group, P < 0.05; compared with ACLT group, P < 0.05.

Table 5 The expression levels of IL-1 β and TNF- α in each group ($\overline{x}\pm s$)

| Groups | Synovial cell(pg/mL) | | Relative RNA level | |
|--|----------------------|-----------------|--------------------|-------------|
| Gloups | IL-6 | TGF-β | IL-6 | TGF-β |
| Control group | 325.02±28.63 | 753.46±44.58 | 1.00 ± 0.01 | 1.00±0.01 |
| ACLT group | 865.37±38.91* | 3647.08±75.11* | 3.10±0.18* | 2.89±0.17* |
| ACLT+ microRNA simulation negative control group | 981.06±47.64* | 3584.02±70.12* | 2.88±0.13* | 3.19±0.20* |
| ACLT + miR-29a simulation group | 520.47±40.85** | 1624.35±52.07** | 2.01±0.10** | 2.34±0.16** |
| F value | 33.694 | 50.317 | 30.514 | 33.024 |
| P value | 0.000 | 0.000 | 0.000 | 0.000 |

Note: compared with the control group, P < 0.05; compared with ACLT group, P < 0.05.

2.6 上调 miR-29a 可抑制 KOA 大鼠滑膜细胞 TLR4/Myd88/ NF-κB 通路的激活

与正常组比较,ACLT组、ACLT+microRNA模拟阴性对 照组和 ACLT+miR-29a 模拟组 TLR4、Myd88、NF-κB 的表达水

平均显著升高,差异有统计学意义(P<0.05);与 ACLT 组相 比,ACLT+miR-29a 模拟组 TLR4、Myd88、NF-κB 的表达水平 明显降低,差异有统计学意义(P<0.05)。如表6所示。

| 表 6 各组 TLR4、Myd88、NF-κB 的相对 RNA 水平(x±s) |
|--|
| Table 6 Relative RNA levels of TLR4, Myd88, and NF- κ B in each group($\bar{x}\pm s$) |

| Groups | TLR4 | Myd88 | NF-ĸB |
|---|-----------------|-----------------|-----------------|
| Control group | 1.00 ± 0.01 | 1.00 ± 0.01 | 1.00 ± 0.01 |
| ACLT group | 4.36±0.30* | 8.30±0.35* | 7.05±0.35* |
| ACLT+ microRNA simulation negative control group | 4.33±0.30* | 8.25±0.35* | 6.84±0.35* |
| ACLT + miR-29a simulation group | 2.25±0.20** | 3.22±0.20** | 3.16±0.20** |
| F value | 60.370 | 36.210 | 29.341 |
| P value | 0.000 | 0.000 | 0.000 |

Note: compared with the control group, * $P \le 0.05$; compared with ACLT group, * $P \le 0.05$.

3 讨论

KOA 是一种以关节软骨损伤及软骨下骨继发改变为特征 的慢性关节炎疾病,常伴有关节疼痛甚至残疾,在其发展过程 中软骨、软骨下骨和滑膜的每一个病理改变均是不可或缺的, 彼此相互作用¹⁸。ACLT 通过破坏膝关节稳定性诱导 KOA 发 生,对生理结构影响少,创伤较小,能较全面反映 KOA 病理进 程^{19]}。关节囊的内层是滑膜,主要由疏松结缔组织构成,可分泌 滑液营养和润滑关节软骨,在关节活动中起重要作用^[10]。KOA 发展机制中滑膜炎症扮演着重要的角色,KOA的进展与滑膜 炎症严重程度呈正相关性凹。有效抑制滑膜细胞的炎性反应可 以保护滑膜,抑制 KOA 滑膜炎症,进而缓解 KOA^[12]。有研究显 示 miR-29a 与一些人类疾病有关,如 miR-29a 可能与心功能不 全相互影响,从而在冠心病发病过程中发挥重要作用^[13]; miR-29a 在口腔鳞癌 SCC-9 细胞中表达上调可降低靶基因 PIK3R2 的表达,影响 PI3K/Akt 信号通路,引起细胞增殖、迁移 和侵袭能力下降^[14]。本研究显示,上调 miR-29a 可明显抑制 KOA 滑膜组织和滑膜细胞中 IL-6 和 TGF-β 等炎症相关因子 的表达,表明 KOA 大鼠炎症反应减弱,而上调 miR-29a 可使 KOA 大鼠的 TLR4/Myd88/NF-κB 信号通路失活,提示可能通 过 TLR4/Myd88/NF-κB 信号通路失活化抑制 KOA 大鼠滑膜 细胞炎症反应和凋亡,从而保护滑膜损伤,最终达到缓解 KOA 的目的。

TLR4/MyD88/NF-κB 信号通路是参与调节机体炎症、坏死 及凋亡等的重要信号通路^[15]。TLR 家族既是信号分子,也是脂 多糖的受体,TLR4 是 TLR 家族成员之一,主要分布于单核巨 噬细胞表面,介导脂多糖炎症信号在细胞内传导,是脂多糖的 优先受体¹⁶。TLR4 可诱发炎性因子表达,引起炎性反应,引起 胞质区 NF-κB 活化,激活炎性反应,导致 IL-1、TNF 等炎性因 子释放,从而产生级联反应[17]。Myd88 是 TLR4 信号通路中的 关键接头分子,在上游信号的传递以及疾病的发生和进展中发 挥着重要作用^[18,19]。Myd88 促使 NF-κB 抑制蛋白激酶泛素化降 解,使 NF-κB从 NF-κB抑制蛋白复合物中活化^[20,21]。而 NF-κB 是 TLR/MyD88/NF-κB 信号通路下游的重要节点,参与调解炎 症因子等的表达,特异性结合多种基因启动子的 κB 位点,促 进转录,在免疫应答、炎症应答和细胞生长调节中发挥重要作 用^[2,2]。NF-κB 信号通路是脂多糖介导的所有信号转导通路中 最重要的下游通路,提示 TLR4/NF-κB 通路可能是引发炎症反 应和器官损伤的关键靶点[24,25]。本研究显示,KOA 滑膜组织和 滑膜细胞中 miR-29a 表达下调,TLR4、Myd88、NF-κB 表达水 平均显著升高,上调 miR-29a 后,TLR4、Myd88、NF-κB 的表达 水平均降低; 表明上调 miR-29a 后 KOA 大鼠的 TLR4/Myd88/NF-κB信号通路失活,从而阻断炎症因子分泌, 减少滑膜损伤,从而缓解 KOA。通过抑制 TLR4/MyD88/NF-κB 信号通路可改善软骨形态,减轻滑膜损伤,延缓 KOA 的发生发 展^[7,26,27]。姜黄素、乌头汤等可通过调控/阻断 TLR4/NF-κB 信 号通路,降低炎症水平,抑制 KOA 滑膜炎症反应,从而起到预 后或治疗 KOA 的作用^[28,29]。

综上所述,上调 miR-29a 可通过 TLR4/Myd88/NF-κB 信号 通路失活化抑制 KOA 大鼠滑膜细胞炎症反应,从而保护滑膜 损伤。因此,上述结果为 KOA 的治疗开辟了新的途径。

参考文献(References)

- [1] 叶海霞,谭波涛,贾功伟,等.膝关节骨性关节炎的物理治疗进展[J].
 中华物理医学与康复杂志,2020,42(9):853-857
- [2] Tang X, Wang S, Zhan S, et al. The Prevalence of Symptomatic Knee Osteoarthritis in China: Results From the China Health and Retirement Longitudinal Study [J]. Arthritis Rheumatol, 2016, 68(3): 648-653
- [3] 王国栋. MiRNA-145 对软骨细胞增殖与凋亡的影响及其机制研究 [D]. 青岛大学, 2018, 1-43
- [4] 崔黎明,曹建刚,李强,等.膝关节骨性关节炎患者滑膜和关节液中 miR-29a 和 VEGF 的表达水平及意义 [J]. 广东医学, 2019, 40(24): 3423-3427
- [5] 韦嵩, 申茜茸, 李晓昊, 等. 经筋微创松解术治疗膝骨关节炎对 TLR4/MyD88/NF-κB 信号转导通路的影响 [J]. 中华中医药杂志,

2018, 33(10): 4637-4641

- [6] 谢亮. 经筋微创松解疗法联合嘎日迪-15味丸对膝骨性关节炎患者 TLR4/MyD88/NF-κB信号转导通路及TGF-β_1水平的影响[J]. 新 中医, 2019, 51(5): 186-190
- [7] Huang X, Qiao F, Xue P. The protective role of microRNA-140-5p in synovial injury of rats with knee osteoarthritis via inactivating the TLR4/Myd88/NF-κB signaling pathway[J]. Cell Cycle, 2019, 18(18): 2344-2358
- [8] 张蒙,刘培来,卢辉山,等.不同目标力线设定对开放性楔形胫骨高 位截骨术治疗膝关节骨性关节炎疗效的影响[J].现代生物医学进展,2020,20(6):1181-1184
- [9] 邱皓,陈诗谋,翁政,等.富血小板血浆干预膝关节骨性关节炎模型 兔关节软骨和滑膜的改变 [J].中国组织工程研究,2020,24(14): 2205-2210
- [10] 张斌,代凤雷,尹宏,等.地黄梓醇干预早期膝骨关节炎大鼠膝关 节滑膜组织中炎症相关因子的表达 [J].中国组织工程研究,2020, 24(29):4656-4661
- [11] Bennell KL, Hunter DJ, Paterson KL. Platelet-Rich Plasma for the Management of Hip and Knee Osteoarthritis[J]. Curr Rheumatol Rep, 2017, 19(5): 24
- [12] 沈瑞明,马丽辉,郑颜萍.木犀草素通过 TLR/MyD88/NF-κB 通路 参与急性痛风性关节炎大鼠的抗炎作用[J].中南大学学报(医学 版),2020,45(2):115-122
- [13] 孙玉敏,李绒.冠心病患者血清miR-21、miR-29a表达水平与心电
 图 QRS 波时限相关性分析 [J].陕西医学杂志,2021,50(6):
 713-716.DOI:10.3969/j.issn.1000-7377.2021.06.018
- [14] 史雪聪,赵熠,罗伟民. miR-29a 对口腔鳞癌细胞增殖、迁移和侵袭的影响[J]. 中国临床药理学杂志, 2021, 37(3): 270-274
- [15] Fattori V, Zarpelon AC, Staurengo-Ferrari L, et al. Budlein A, a Sesquiterpene Lactone From Viguiera robusta, Alleviates Pain and Inflammation in a Model of Acute Gout Arthritis in Mice [J]. Front Pharmacol, 2018, 9: 1076
- [16] He X, Qian Y, Li Z, et al. TLR4-Upregulated IL-1β and IL-1RI Promote Alveolar Macrophage Pyroptosis and Lung Inflammation through an Autocrine Mechanism[J]. Sci Rep, 2016, 6: 31663
- [17] 王学宗,丁道芳,薛艳,等. TLR4/NF-κB 通路参与大鼠膝骨关节炎 滑膜早期病变的研究[J]. 中国骨伤, 2019, 32(1): 68-71
- [18] Liu DD, Cao G, Han LK, et al. Flavonoids from Radix Tetrastigmae improve LPS-induced acute lung injury via the TLR4/MD-2-mediated pathway[J]. Mol Med Rep, 2016, 14(2): 1733-1741
- [19] Bing X, Xuelei L, Wanwei D, et al. EGCG Maintains Th1/Th2 Balance and Mitigates Ulcerative Colitis Induced by Dextran Sulfate Sodium through TLR4/MyD88/NF-κB Signaling Pathway in Rats[J]. Can J Gastroenterol Hepatol, 2017, 2017: 3057268
- [20] Wu L, Du L, Ju Q, et al. Silencing TLR4/MyD88/NF-κB Signaling Pathway Alleviated Inflammation of Corneal Epithelial Cells Infected by ISE[J]. Inflammation, 2020, 10(3): 721-731
- [21] Lei R, Li J, Liu F, et al. HIF-1 α promotes the keloid development through the activation of TGF- β /Smad and TLR4/MyD88/NF- κ B pathways[J]. Cell Cycle, 2019, 18(23): 3239-3250
- [22] Deng LL, Yuan D, Zhou ZY, et al. Saponins from Panax japonicus attenuate age-related neuroinflammation via regulation of the mitogen-activated protein kinase and nuclear factor kappa B signaling pathways[J]. Neural Regen Res, 2017, 12(11): 1877-1884

5597567

- [5] Gui Y, Xu Z, Jin T, et al. Using extracellular circulating micrornas to classify the etiological subtypes of ischemic stroke [J]. Transl Stroke Res, 2019, 10(4): 352-361
- [6] Cheng ZJ, Dai TM, Shen YY, et al. Atorvastatin pretreatment attenuates ischemic brain edema by suppressing aquaporin 4 [J]. J Stroke Cerebrovasc Dis, 2018, 27(11): 3247-3255
- [7] Morita K, Matsumoto N, Saito K, et al. Bmp signaling alters aquaporin-4 expression in the mouse cerebral cortex [J]. Sci Rep, 2021, 11(1): 10540
- [8] Wang Y, Huang J, Ma Y, et al. Microrna-29b is a therapeutic target in cerebral ischemia associated with aquaporin 4[J]. J Cereb Blood Flow Metab, 2015, 35(12): 1977-1984
- [9] Pereira BM, Weinstein PR, Zea-Longa E, et al. Effect of blood flow rate and donor vessel diameter on the patency of carotid venous bypass grafts in dogs[J]. Surg Neurol, 1989, 31(3): 195-199
- [10] Grieve SM, Mazhar J, Callaghan F, et al. Automated quantification of myocardial salvage in a rat model of ischemia-reperfusion injury using 3d high-resolution magnetic resonance imaging (mri)[J]. J Am Heart Assoc, 2014, 3(4): e000956
- [11] Manley GT, Fujimura M, Ma T, et al. Aquaporin-4 deletion in mice reduces brain edema after acute water intoxication and ischemic stroke[J]. Nat Med, 2000, 6(2): 159-163
- [12] Cai L, Zhou Y, Wang Z, et al. Neuroserpin extends the time window of tpa thrombolysis in a rat model of middle cerebral artery occlusion [J]. J Biochem Mol Toxicol, 2020, 34(11): e22570
- [13] Suster I, Feng Y. Multifaceted regulation of microrna biogenesis: Essential roles and functional integration in neuronal and glial development[J]. Int J Mol Sci, 2021, 22(13): 6765
- [14] Tu Y, Hu Y. Mirna-34c-5p protects against cerebral ischemia/ reperfusion injury: Involvement of anti-apoptotic and antiinflammatory activities[J]. Metab Brain Dis, 2021
- [15] Tiedt S, Prestel M, Malik R, et al. Rna-seq identifies circulating mir-125a-5p, mir-125b-5p, and mir-143-3p as potential biomarkers for acute ischemic stroke[J]. Circ Res, 2017, 121(8): 970-980

- [16] Kijpaisalratana N, Nimsamer P, Khamwut A, et al. Serum mirna125a-5p, mir-125b-5p, and mir-433-5p as biomarkers to differentiate between posterior circulation stroke and peripheral vertigo[J]. BMC Neurol, 2020, 20(1): 372
- [17] Liu Y, Li Y, Ren Z, et al. Microrna-125a-3p is involved in early behavioral disorders in stroke-afflicted rats through the regulation of cadm2[J]. Int J Mol Med, 2017, 40(6): 1851-1859
- [18] Hou X, Xu H, Chen W, et al. Neuroprotective effect of dimethyl fumarate on cognitive impairment induced by ischemic stroke [J]. Ann Transl Med, 2020, 8(6): 375
- [19] Fu X, Li Q, Feng Z, et al. The roles of aquaporin-4 in brain edema following neonatal hypoxia ischemia and reoxygenation in a cultured rat astrocyte model[J]. Glia, 2007, 55(9): 935-941
- [20] Yang Q, Yu J, Qin H, et al. Irbesartan suppresses lipopolysaccharide (lps)-induced blood-brain barrier (bbb) dysfunction by inhibiting the activation of mlck/mlc[J]. Int Immunopharmacol, 2021, 98: 107834
- [21] 董静,褚鹤龄,高子丹,等.水通道蛋白4与脑血管病[J]. 国际脑血管病杂志, 2016, 24(11): 1050-1054
- [22] Reijerkerk A, Lopez-Ramirez MA, van Het Hof B, et al. Micrornas regulate human brain endothelial cell-barrier function in inflammation: Implications for multiple sclerosis [J]. J Neurosci, 2013, 33(16): 6857-6863
- [23] Zheng Y, Pan C, Chen M, et al. Mir-29a ameliorates ischemic injury of astrocytes in vitro by targeting the water channel protein aquaporin 4[J]. Oncol Rep, 2019, 41(3): 1707-1717
- [24] Wang H, Zheng X, Jin J, et al. Lncrna malat1 silencing protects against cerebral ischemia-reperfusion injury through mir-145 to regulate aqp4[J]. J Biomed Sci, 2020, 27(1): 40
- [25] Yao X, Derugin N, Manley GT, et al. Reduced brain edema and infarct volume in aquaporin-4 deficient mice after transient focal cerebral ischemia[J]. Neurosci Lett, 2015, 584: 368-372
- [26] Lu H, Sun SQ. A correlative study between aqp4 expression and the manifestation of dwi after the acute ischemic brain edema in rats[J]. Chin Med J (Engl), 2003, 116(7): 1063-1069

(上接第 3653 页)

- [23] Wang X, Zhou J, Yang J, et al. Role of TLR4/MyD88/NF- κ B signaling in the contrast-induced injury of renal tubular epithelial cells[J]. Exp Ther Med, 2020, 20(5): 115
- [24] Sun XJ, Li XQ, Wang XL, et al. Sevoflurane inhibits nuclear factorκB activation in lipopolysaccharide-induced acute inflammatory lung injury via toll-like receptor 4 signaling [J]. PLoS One, 2015, 10(4): e0122752
- [25] Liu M, Xie J, Sun Y. TLR4/MyD88/NF-κB-Mediated Inflammation Contributes to Cardiac Dysfunction in Rats of PTSD [J]. Cell Mol Neurobiol, 2020, 40(6): 1029-1035
- [26] Li Z, Zou Y, Fan D, et al. The mechanism of medial collateral

ligament repair in knee osteoarthritis based on the TLR4/MyD88/ NF-κB inflammatory signaling pathway[J]. J Musculoskelet Neuronal Interact, 2020, 20(3): 398-403

- [27] 余永林,吴家顺,热合米丁·艾买提,等. 淫羊藿甙干预脂肪间充质 干细胞修复膝骨性关节炎的作用及相关机制研究[J]. 中国免疫学 杂志, 2021, 37(3): 301-306
- [28] 陈俊,林洁,赵忠胜,等. 乌头汤对膝骨关节炎模型大鼠滑膜组织 TLR4/NF-кB 信号通路的影响[J].中国组织工程研究, 2019, 23(27): 4381-4386
- [29] Zhang Y, Zeng Y. Curcumin reduces inflammation in knee osteoarthritis rats through blocking TLR4 /MyD88/NF-κB signal pathway[J]. Drug Dev Res, 2019, 80(3): 353-359